



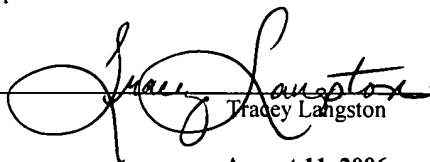
1 8-14-06 IFW 1644

IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

In re United States Patent Application of:)	Docket No.:	4121-135
)		
Applicants:)	Conf. No.:	1053
ARNDT, Michaela, et al.)		
)		
Application No.:)	Art Unit:	1644
10/049,404)		
Date Filed:)	Examiner:	Chun Crowder
August 5, 2002)		
)		
Title:)	Customer No.:	23448
FV ANTIBODY CONSTRUCT)		
COMPRISING BINDING)		
SITES FOR A CD16)		
RECEPTOR AND A CD30)		
SURFACE PROTEIN)		

EXPRESS MAIL CERTIFICATE

I hereby certify that I am mailing the attached documents to the Commissioner for Patents on the date specified, in an envelope addressed to Commissioner for Patents, P.O. Box 1450, Alexandria, VA 22313-1450 and Express Mailed under the provisions of 37 CFR 1.10.


Tracey Langston

August 11, 2006

Date

EO 010 427 915 US

Express Mail Label Number

SUBMISSION OF CERTIFIED COPY OF PRIORITY GERMAN PATENT APPLICATION NO. 199 37 264.0, AND ITS ENGLISH TRANSLATION, TO PERFECT PRIORITY CLAIM IN U.S. PATENT APPLICATION NO. 10/049,404

Commissioner for Patents
P.O. Box 1450
Alexandria, Virginia 22313-1450

Sir:

Enclosed is a certified copy of priority German Patent Application Number 199 37 264.0, and its English translation, to perfect the priority claim in the above-identified U.S. patent application.

Respectfully submitted,



Steven J. Hultquist
Reg. No. 28,021
Attorney for Applicants

**INTELLECTUAL PROPERTY/
TECHNOLOGY LAW**
Phone: (919) 419-9350
Fax: (919) 419-9354
Attorney File No.: 4121-135

Enclosures:

Certified Copy of German Patent Application No. 199 37 264.0 [1]

Certificate of Verification and English Translation of German Patent Application No. 199 37 264.0 [1]

<p>The USPTO is hereby authorized to charge any deficiency or credit any overpayment of fees properly payable for this document to Deposit Account No. 08-3284</p>
--

BUNDESREPUBLIK DEUTSCHLAND



**CERTIFIED COPY OF
PRIORITY DOCUMENT**

**Prioritätsbescheinigung
DE 199 37 264.0
über die Einreichung einer Patentanmeldung**

BEST AVAILABLE COPY

Aktenzeichen: 199 37 264.0

Anmeldetag: 06. August 1999

Anmelder/Inhaber: Deutsches Krebsforschungszentrum Stiftung des öffentlichen Rechts, 69120 Heidelberg/DE

Bezeichnung: Fv-Antikörper-Konstrukte

IPC: C 07 K, A 61 K

Die angehefteten Stücke sind eine richtige und genaue Wiedergabe der ursprünglichen Unterlagen dieser Patentanmeldung.

München, den 29. Mai 2006
Deutsches Patent- und Markenamt
Der Präsident
Im Auftrag

Wallner

K 2619

F_v-Antikörper-Konstrukte

Die vorliegende Erfindung betrifft F_v-Antikörper-Konstrukte, die eine Regression von Morbus Hodgkin induzieren können, für solche F_v-Antikörper-Konstrukte kodierende DNAs sowie ein Verfahren zur Herstellung der F_v-Antikörper-Konstrukte und ihre Verwendung.

Natürliche Antikörper weisen vier variable Domänen, zwei V_H- und zwei V_L-Domänen, auf. Die variablen Domänen dienen als Bindungsstellen für ein Antigen, wobei eine Bindungsstelle aus einer V_H- und einer V_L-Domäne ausgebildet ist. Natürliche Antikörper weisen zwei gleiche Bindungsstellen auf, d.h. sie erkennen ein Antigen und werden daher auch als monospezifisch bezeichnet. Künstliche Antikörper können auch zwei verschiedene Bindungsstellen aufweisen, d.h. sie erkennen dann zwei Antigene und werden entsprechend als bispezifisch bezeichnet. Ein Beispiel solcher Antikörper ist jener, der den FcyIIIA Rezeptor (CD16) von natürlichen Killerzellen (NK-Zellen) und das Oberflächenprotein CD30 von Morbus Hodgkin-Zellen erkennt. Mit diesem Antikörper (bimAbHRS-3/A9) können NK-Zellen aktiviert und gegen Morbus Hodgkin-Zellen ausgerichtet werden, wodurch eine Regression von Morbus Hodgkin induziert wird (vgl. Hartmann, F. et al., Blood 89 (1997), 2042). Andererseits hat sich gezeigt, daß bimAbHRS-3/A9 nur schwer herstellbar bzw. reinigungsfähig ist. Darüber hinaus hat sich gezeigt, daß bimAbHRS-3/A9 bei vielen Patienten unerwünschte Immunreaktionen hervorruft.

Der vorliegenden Erfindung liegt somit die Aufgabe zugrunde, einen Antikörper bereitzustellen, mit dem eine Regression von Morbus Hodgkin induziert werden kann, wobei vorstehende Nachteile vermieden werden.

Erfindungsgemäß wird dies durch die Gegenstände in den

Patentansprüchen erreicht.

Die vorliegende Erfindung beruht auf den Erkenntnissen des Anmelders, daß ein F_v -Antikörper-Konstrukt, das Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-Oberflächenprotein aufweist, eine Regression von Morbus Hodgkin induzieren kann, wobei die Lyse der Tumorzellen stärker ist als mit bimAbHRS-3/A9. Ferner hat er erkannt, daß ein solches F_v -Antikörper-Konstrukt in großen Mengen und hoher Reinheit hergestellt werden kann. Desweiteren zeichnet sich das F_v -Antikörper-Konstrukt dadurch aus, daß es keine Teile enthält, die zu unerwünschten Immunreaktionen bei Patienten führen können.

Erfindungsgemäß werden die Erkenntnisse des Anmelders genutzt, ein F_v -Antikörper-Konstrukt bereitzustellen, das Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-Oberflächenprotein aufweist.

Der Ausdruck " F_v -Antikörper-Konstrukt" weist auf ein Antikörper-Konstrukt hin, das variable Domänen, nicht aber konstante Domänen aufweist. Als variable Domänen liegen insbesondere Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-Oberflächenprotein vor.

Der Ausdruck "Bindungsstelle" weist auf eine V_H - und eine V_L -Domäne hin, mittels derer das F_v -Antikörper-Konstrukt an einen CD16-Rezeptor bzw. ein CD30-Oberflächenprotein binden kann.

Der Ausdruck "CD16-Rezeptor" umfaßt einen CD16-Rezeptor jeglicher Art und Abstammung. Beispielsweise kann der CD16-Rezeptor von NK-Zellen, Makrophagen oder aktivierten Monocyten stammen. Auch kann der CD16-Rezeptor in Wildtyp- oder veränderter Form vorliegen, wobei letztere Form auch ein Fragment eines CD16-Rezeptors umfaßt, an das ein gegen einen CD16-Rezeptor gerichteter Antikörper binden kann.

Der Ausdruck "CD30-Rezeptor" umfaßt einen CD30-Rezeptor jeglicher Art und Abstammung. Beispielsweise kann der CD30-

Rezeptor von Morbus Hodgkin- oder Reed-Sternberg-Zellen stammen. Auch kann der CD30-Rezeptor in Wildtyp- oder veränderter Form vorliegen, wobei letztere Form auch ein Fragment eines CD30-Rezeptors umfaßt, an das ein gegen einen CD30-Rezeptor gerichteter Antikörper binden kann.

Ein erfindungsgemäßes F_V -Antikörper-Konstrukt weist eine oder mehrere Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und eine oder mehrere Bindungsstellen für ein CD30-Oberflächenprotein auf. Vorzugsweise weist das F_V -Antikörper-Konstrukt eine oder zwei Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und eine oder zwei Bindungsstellen für ein CD30-Oberflächenprotein auf.

Ein erfindungsgemäßes F_V -Antikörper-Konstrukt kann durch verschiedene Verfahren hergestellt werden. Beispielsweise kann ein F_V -Antikörper-Konstrukt, das eine Bindungsstelle für einen CD16-Rezeptor und eine Bindungsstelle für ein CD30-Oberflächenprotein aufweist, z.B. dadurch hergestellt werden, daß ein erstes einzelkettiges F_V -Antikörper-Konstrukt, das eine V_H -Domäne eines anti-CD16-Antikörpers und eine V_L -Domäne eines anti-CD30-Antikörpers aufweist, zusammen mit einem zweiten einzelkettigen F_V -Antikörper-Konstrukt, das eine V_L -Domäne eines anti-CD16-Antikörpers und eine V_H -Domäne eines anti-CD30-Antikörpers aufweist, exprimiert wird, wodurch sich beide aneinanderlagern und das erfindungsgemäße F_V -Antikörper-Konstrukt ausgebildet wird. Ergänzend wird auf die Beispiele 1-3 verwiesen.

Ferner kann ein F_V -Antikörper-Konstrukt, das zwei bis vier Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und zwei Bindungsstellen für ein CD30-Oberflächenprotein aufweist, z.B. dadurch hergestellt werden, daß ein einzelkettiges F_V -Antikörper-Konstrukt exprimiert wird, das die Elemente (a) und (b) umfaßt:

- (a) eine V_H -Domäne eines anti-CD16-Antikörpers und eine V_L -Domäne eines anti-CD30-Antikörpers, wobei die Domänen über einen Peptidlinker 1 miteinander verbunden sind, der

jegliche Aminosäuren, insbesondere Glycin (G), Serin (S) und Prolin (P) und vorzugsweise 0 - 10 Aminosäuren umfassen kann,

- 5 (b) eine V_H -Domäne eines anti-CD30-Antikörpers und eine V_L -Domäne eines anti-CD16-Antikörpers, wobei die Domänen über vorstehenden Peptidlinker 1 miteinander verbunden sind,

10 wobei die Elemente (a) und (b) über einen Peptidlinker 2 miteinander verbunden sind, der jegliche Aminosäuren, insbesondere Glycin, Serin und Prolin und vorzugsweise 3 - 10 Aminosäuren und ganz besonders die Aminosäuresequenz GGPGS umfassen kann. Ergänzend wird auf die Patentanmeldung 198 19 846.9 des Anmelders verwiesen.

15
20 Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist eine Nukleinsäure, insbesondere eine DNA, die für ein vorstehendes F_V -Antikörper-Konstrukt kodiert. Ferner sind Expressionsvektoren, die eine solche DNA enthalten, ein Gegenstand der vorliegenden Erfindung. Bevorzugt wird der Expressionsvektor pKID16-30 von Fig. 1. Dieser wurde bei der DSMZ (Deutsche Sammlung für Mikroorganismen und Zellen) am 29. Juli 1999 unter DSM 12960 hinterlegt. Desweiteren sind Zellen, die einen vorstehenden Expressionsvektor enthalten, ein Gegenstand der vorliegenden Erfindung.

25
30 Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist ein Kit, umfassend:

- (a) ein erfindungsgemäßes F_V -Antikörper-Konstrukt, und/oder
(b) einen erfindungsgemäßen Expressionsvektor, sowie
(c) übliche Hilfsstoffe, wie Puffer, Lösungsmittel, Träger, Kontrollen und Marker.

35 Von den einzelnen Komponenten können ein oder mehrere Vertreter vorliegen.

Die vorliegende Erfindung stellt ein F_v-Antikörper-Konstrukt bereit, das Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-Oberflächenprotein aufweist. Dieses F_v-Antikörper-Konstrukt läßt sich in großen Mengen und großer Reinheit herstellen. Auch weist es keine Teile auf, die zu unerwünschten Immunreaktionen bei Patienten führen können. Besonders kennzeichnet sich das F_v-Antikörper-Konstrukt dadurch, daß es NK-Zellen aktivieren und gegen CD30-Oberflächenproteine exprimierende Zellen, insbesondere Tumorzellen, ganz besonders Morbus Hodgkin- oder Reed-Sternberg Zellen, ausrichten kann, wodurch diese Zellen lysiert werden. Somit eignet sich die vorliegende Erfindung gegen Erkrankungen vorzugehen, bei denen CD30-Oberflächenproteine exprimierende Zellen eine Rolle spielen. Solche Erkrankungen sind z.B. Tumorerkrankungen, insbesondere Morbus Hodgkin.

Kurze Beschreibung der Zeichnungen:

Fig. 1 zeigt den erfindungsgemäßen Expressionsvektor pKID16-30. Dieser kodiert für zwei einzelkettige F_v-Antikörper-Konstrukte, von denen das eine die V_H-Domäne eines anti-CD16-Antikörpers und die V_L-Domäne eines anti-CD30-Antikörpers und das andere die V_H-Domäne eines anti-CD30-Antikörpers und die V_L-Domäne eines anti-CD16-Antikörpers aufweist. Nach Expression der einzelkettigen F_v-Antikörper-Konstrukte lagern sich diese aneinander, wodurch ein erfindungsgemäßes F_v-Antikörper-Konstrukt erhalten wird.

Fig. 2 zeigt eine FACS-Analyse der Bindung eines erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes an CD30⁺ L540CY Morbus Hodgkin-Zellen und CD16⁺ Granulocyten. Die Tumorzellen und die Granulocyten wurden jeweils mit 20 µg des erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes inkubiert. Die Bindung des F_v-Antikörper-Konstruktes wurde mit dem anti-c-myc

Antikörper 9E10 und Fluorescein-konjugiertem Ziege-anti-Maus IgG bestimmt. Als Negativ-Kontrolle wurden die Zellen alleine mit 9E10 und Fluorescein-konjugiertem Ziege-anti-Maus-IgG inkubiert.

Fig. 3 zeigt die cytolytische Aktivität von in peripheren Blutlymphozyten (PBL-Zellen) enthaltenen NK-Zellen (Effektor) gegenüber CD30⁺ L540CY Morbus Hodgkin-Zellen (Zielzellen) bei unterschiedlichen Effektor-Zielzellen-Verhältnissen in einem 5h JAM-Test. Ein erfindungsgemäßes F_v-Antikörper-Konstrukt (•) wurde mit einer Konzentration von 1 µg/ml verabreicht. Als Kontrolle wurde bimAbHRS-3/A9 (▲) (mit einer Konzentration von 4 µg/ml verwendet. Als Negativ-Kontrolle wurden das erfindungsgemäße F_v-Antikörper-Konstrukt ohne NK-Zellen (°) und NK-Zellen alleine (□) verwendet.

Fig. 4 zeigt die Behandlung von SCID Mäusen, die Morbus Hodgkin-Xenotransplantate tragen, mit einem erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstrukt. Die Mäuse wurden am Tag 0 i.v. mit 100 µg eines erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes zusammen mit NK-Zellen enthaltenden PBL-Zellen (•) bzw. ohne solche (°), mit 200 µl PBS (*), mit 1 x 10⁷ PBL-Zellen (□), bzw. mit einem Gemisch von 100 µg mAb HRS-3 und A9 zusammen mit PBL-Zellen (◊) behandelt. Tumor-Durchmesser wurden zweimal pro Woche gemessen und das Tumor-Volumen wurde mit folgender Formel berechnet: $\text{Volumen} = \frac{d^2 \times D \times \pi}{6}$, wobei d der kleinere und D der größere Tumor-Durchmesser ist.

Beispiel 1: Konstruktion des erfindungsgemäßen Expressionsvektors pKID16-30

Die cDNA der V_H- und V_L-Domänen eines anti-CD16-Antikörpers mAb A9 wurde einer PCR unterzogen. Hierfür wurden die folgenden Primer verwendet:

VH5', 5-CAGCCGGCCATGGCGCAGGTC(G)CAGCTGCAGC(G)AG-3 (NcoI);
 VH3', 5-CCAGGGGCCAGTGGATAGACAAGCTTGGGTGTTGTTTT-3
 (HindIII);

VL5', 5-AGAGACGCGTACAGGCTGTTGTGACTCAGG-3 (MluI);

VL3', 5-GACTGCGGCCGCAGACTTGGGCTGGCC-3 (NotI).

Die PCR wurde wie folgt durchgeführt: Ein Zyklus; 5 min bei 94°C, 3 min bei 58°C und 2 min bei 72°C, gefolgt von 30 Zyklen; 80 sec bei 94°C, 80 sec bei 58°C und 2 min bei 72°C bzw. letzteres 10 min im letzten Zyklus. Die PCR-Produkte wurden Gel-gereinigt und in den Vektor pCR-Script SK(+) (Stratagene) zur Sequenzierung inseriert. Zur Expression wurde die V_H-Domäne über NcoI/HindIII und die V_L-Domäne über MluI/NotI in den Vektor pHOG21 inseriert.

Die V_H- und V_L-Domänen eines anti-CD30-scF_v-Fragmentes wurden einer PCR unterzogen. Hierfür wurden die folgenden Primer verwendet:

5-ATGACCATGATTACGCCAAGC-3

5-AGACAAGCTTGGGTGTTGTTTTGGCTGAGGAGACGG-3 (HindIII);

5-GGCGGATATCGAGCTCACTCAGTCTCC-3 (EcoRV)

5-TATAGCGGCCGCAGCATCAGCCCGTTTGATTTC-3 (NotI).

Die V_H- und V_L-Domänen des anti-CD30-scF_v-Fragmentes bzw. des anti-CD16-scF_v-Fragmentes wurden in den Expressionsvektor pKID inseriert, wodurch der erfindungsgemäße Expressionsvektor pKID 16-30 erhalten wurde. Dieser kodiert für die einzelkettigen F_v-Antikörper-Konstrukte V_H 16-V_L 30 und V_H 30-V_L 16.

Beispiel 2: Expression des erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes in Bakterien

E.coli-Xl1 Blue-Zellen (Stratagene, La Jolla, CA), die mit dem Expressionsplasmid pKID16-30 transformiert worden waren,

wurden über Nacht in 2YT-Medium mit 100 µg/ml Ampicillin und 100 mM Glucose bei 37°C gezüchtet. 1:20-Verdünnungen der über Nacht-Kulturen wurden als Kolbenkulturen in 2YT-Medium bei 38°C unter Schütteln mit 280 rpm gezüchtet. Bei einem OD₆₀₀-Wert von 0,8 wurden die Bakterien durch 10 minütige Zentrifugation mit 1500 g bei 20°C pelletiert und in dem gleichen Volumen eines frischen 2YT-Mediums, das 100 µg/ml Ampicillin und 0,4 M Saccharose enthielt, resuspendiert. IPTG wurde mit einer Endkonzentration von 0,1 M zugesetzt und das Wachstum wurde bei 21°C (20-22°C) 18-20 h fortgesetzt. Das F_v-Antikörper-Konstrukt wurde wie in Kipriyanov, S.M. et al., Protein Engineering 10, (1997), 445 beschrieben, isoliert. Anschließend wurde es durch eine Ammoniumsulfatfällung (Endkonzentration 70 % Sättigung) eingeengt. Das Proteinpräzipitat wurde durch Zentrifugation (30000 g, 4°C, 45 min) gewonnen und in 10 % des Anfangsvolumens von 50 mM Tris-HCl, 1 M NaCl, pH 7,0 aufgelöst. Eine immobilisierte Metallaffinitäts-Chromatographie (IMAC) wurde wie in Kipriyanov, S.M. et al., J. Immunol. Methods 200, (1997), 69 beschrieben, durchgeführt. Das gereinigte F_v-Antikörper-Konstrukt wurde gegen eine Phosphat-gepufferte Kochsalzlösung dialysiert.

Beispiel 3: Charakterisierung des erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes

(A) Durchflußcytometrie

Zum Nachweis der Bindung eines erfindungsgemäßen F_v-Antikörper-Konstruktes an CD16⁺ Granulocyten und CD30⁺ L540CY-Morbus Hodgkin-Zellen wurde eine FACScan (Beckton Dickinson)-Analyse durchgeführt. Hierzu wurden 1 x 10⁶-Zellen zweimal in eiskaltem PBS-N (PBS, 0,05% NaN₃) gewaschen und mit 100 µl des F_v-Antikörper-Konstruktes von Beispiel 2 45 min auf Eis inkubiert. Die Zellen wurden 5 min mit 1200 rpm bei 4°C pelletiert und mit 2 ml PBS-N gewaschen. Die Zellen wurden in 100 µl PBS-N, das 10 µg/ml des an das c-myc bindenden

Antikörpers 9E10 (ICI Chemikalien) enthielt, resuspendiert und 30 min auf Eis inkubiert. Die Zellen wurden pelletiert und wie vorstehend gewaschen. Danach wurden die Zellen mit Fluorescein-markiertem Ziege-anti-Maus IgG (Gibco BRL; 1:100 verdünnt in PBS-N), resuspendiert und 30 min auf Eis inkubiert. Nach erneutem Waschen mit PBS-N waren die Zellen für die Analyse mit PBS-N, das 1 $\mu\text{g/ml}$ Propidiumjodid (Sigma) enthielt, bereit. Hintergrund-Fluoreszenz wurde bestimmt, indem die Zellen mit dem Antikörper 9E10 und Fluorescein-markiertem Ziege-anti-Maus-IgG unter gleichen Bedingungen inkubiert wurden.

Es zeigte sich, daß das erfindungsgemäße F_v -Antikörper-Konstrukt sowohl CD16^+ Granulocyten als auch CD30^+ L540 CY Morbus Hodgkin-Zellen erkennt und an sie bindet.

(B) Cytotoxizitätstest

Zum Nachweis der Aktivität eines erfindungsgemäßen F_v -Antikörper-Konstruktes NK-Zellen zu aktivieren, CD30^+ L540CY Morbus Hodgkin-Zellen zu lysieren wurde ein Cytotoxizitätstest entsprechend des in Matzinger, P., J. Immunol. Meth. 145 (1991), 185 beschriebenen JAM-Tests durchgeführt. In dem Cytotoxizitätstest wird die DNA-Fragmentierung bewertet. Zellen wurden mit [^3H] Thymidin bis zu einer Endkonzentration von 2,5-5 $\mu\text{Ci/ml}$ für 4-6 h markiert. Die Zellen wurden pelletiert, einmal mit Kulturmedium gewaschen und auf 10^4 Zellen/Vertiefung einer 96-Lochplatte eingestellt. Nach Zugabe von Effektor-Zellen (NK Zellen enthaltende periphere Blutzellen "PBL-Zellen") in verschiedenen Verdünnungen wurde die 96-Lochplatte in einer befeuchteten Atmosphäre mit 7,5 % CO_2 für 4 h inkubiert. Die Zellen und das Medium wurden auf Fiberglas-Filter gesaugt. Nach Waschen und Trocknen der Filter wurden sie in Plastik-Tüten überführt, die eine Szintillationsflüssigkeit enthielten und unter Verwendung eines Flüssig-Szintillations-Zählers (LKB) gezählt. Die gemessene Radioaktivität bezieht sich auf intakte DNA, da DNA aus toten Zellen in kleine Fragmente abgebaut ist, die nicht

von den Filtern festgehalten werden. Zur Bestimmung der Cytotoxizität, d.h. der Abtötung von Zellen, wurde die Standardformel für den JAM-Test verwendet: % spezifische Abtötung = $(S-E)/S \cdot 100$, wobei E = experimentell erhaltene DNA in Gegenwart von Effektor-Zellen (in cpm) und S = erhaltene DNA in Abwesenheit von Effektor-Zellen (spontan).

Es zeigte sich, daß ein erfindungsgemäßes F_v -Antikörper-Konstrukt NK-Zellen aktivieren kann, CD30⁺ L540CY Morbus Hodgkin-Zellen zu lysieren, wobei die Lyse stärker ist als bei Verwendung von bimAbHRS-3/A9.

(C) Einfluß auf Tumoren von Mäusen

CD30⁺ L540CY Hodgkin's Lymphome wurden in SCID Mäusen, wie in Hombach, A. et al., Int. J. Cancer 55, (1993), 830; Renner, C. et al., J. Hematotherapy 4, (1995), 447 beschrieben, etabliert. Hierzu wurden 1.5×10^7 Tumorzellen in 200 μ l PBS subcutan in die rechte Flanke der Mäuse injiziert. Die Tumor-Entwicklung, d.h. der Tumor-Durchmesser, wurde zweimal pro Woche bestimmt. Mäuse mit Tumoren von 4-6 mm im Durchmesser wurden in verschiedene Gruppen eingeteilt und erhielten ein erfindungsgemäßes F_v -Antikörper-Konstrukt in 200 μ l PBS zusammen mit NK-Zellen enthaltenden peripheren Blutlymphozyten (PBL-Zellen). Das Tumolvolumen und seine Entwicklung wurden bestimmt (vgl. Legende zu Fig. 4).

Es zeigte sich, daß ein erfindungsgemäßes F_v -Antikörper-Konstrukt nicht nur in vitro sondern auch in vivo NK-Zellen aktivieren kann, CD30⁺ L540CY Morbus Hodgkin-Zellen zu lysieren.

Patentansprüche

- 5 1. F_V-Antikörper-Konstrukt mit Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-Oberflächenprotein.
2. F_V-Antikörper-Konstrukt nach Anspruch 1, wobei der CD16-Rezeptor von NK-Zellen stammt.
- 10 3. F_V-Antikörper-Konstrukt nach Anspruch 1 oder 2, wobei das CD30-Oberflächenprotein von Morbus Hodgkin- oder Reed-Sternberg-Zellen stammt.
- 15 4. F_V-Antikörper-Konstrukt nach einem der Ansprüche 1 - 3, wobei jeweils eine Bindungsstelle vorliegt.
5. F_V-Antikörper-Konstrukt nach Anspruch 4, kodiert durch den Expressionsvektor pKID16-30 (DSM 12960).
- 20 6. F_V-Antikörper-Konstrukt nach einem der Ansprüche 1-3, wobei jeweils zwei Bindungsstellen vorliegen.
7. Expressionsvektor, kodierend für das F_V-Antikörper-Konstrukt nach einem der Ansprüche 1 - 6.
- 25 8. Expressionsvektor nach Anspruch 7, nämlich pKID16-30 (DSM 12960).
- 30 9. Transformante, enthaltend den Expressionsvektor nach Anspruch 7 oder 8.
- 35 10. Verfahren zur Herstellung des F_V-Antikörper-Konstruktes nach einem der Ansprüche 1-6, umfassend die Kultivierung der Transformante nach Anspruch 9 unter geeigneten Bedingungen.
11. Kit, umfassend:
(a) ein erfindungsgemäßes F_V-Antikörper-Konstrukt,

und/oder

- (b) einen erfindungsgemäßen Expressionsvektor, sowie
(c) übliche Hilfsstoffe, wie Puffer, Lösungsmittel,
Träger, Kontrollen und Marker,

5

wobei von den einzelnen Komponenten ein oder mehrere
Vertreter vorliegen können.

10

12. Verwendung des F_v-Antikörper-Konstruktes nach einem der
Ansprüche 1-6 zur Lyse von CD30-Oberflächenproteinen
exprimierenden Zellen.



15

13. Verwendung nach Anspruch 12, wobei die Zellen Tumorzellen
sind.

14. Verwendung nach Anspruch 13, wobei die Tumorzellen Morbus
Hodgkin- oder Reed-Sternberg-Zellen sind.



F_v-Antikörper-Konstrukte

5 Die vorliegende Erfindung betrifft F_v-Antikörper-Konstrukte mit
Bindungsstellen für einen CD16-Rezeptor und ein CD30-
Oberflächenprotein, wobei sich die F_v-Antikörper-Konstrukte
eignen, eine Regression von Morbus Hodgkin zu induzieren.
Ferner betrifft die Erfindung für solche F_v-Antikörper-
10 Konstrukte kodierende DNAs sowie ein Verfahren zur Herstellung
der F_v-Antikörper-Konstrukte und ihre Verwendung.

XhoI **AseI**
1 CTCGAGAGCGGGCAGTGAGCGCAACGCAATTAATGTGAGTTAGCTCACTCATTAGGCACCCCAGGCTTTTACACTTTAT
EcoRI **RBS**
79 GCTCCCGGCTCGTATGTTGTGTGGAATTGTGAGCGGATAACAATTTACACAGAATTCATTAAAGAGGAGAAATTAAC
PelB leader **AlwNI** **NcoI** **Serum A**
157 CATGAAATACCTATTGCCTACGGCAGCCGCTGGCTTGCTGCTGCTGGCAGCTCAGCCGCCATGGCGCAGGTGCAGCTG
1 MetAlaGlnValGlnLeu
VH anti-CD16 **EcoRV**
235 CAGCAGTCTGGAGCTGAGCTGGTAAGGCCTGGGACTTCAGTGAAGATATCCTGCAAGGCTTCTGGCTACACCTTCACT
7 GlnGlnSerGlyAlaGluLeuValArgProGlyThrSerValLysIleSerCysLysAlaSerGlyTyrThrPheThr
CDR-H1 **EcoRV CDR-H2**
313 AACTACTGGCTAGGTTGGGTAAAACAGAGGCCTGGACATGGACTCGAGTGGATTGGAGATATCTACCCTGGAGGTGGT
33 AsnTyrTrpLeuGlyTrpValLysGlnArgProGlyHisGlyLeuGluTrpIleGlyAspIleTyrProGlyGlyGly
391 TATACTAACTACAATGAGAAATTCAAGGGCAAGGCCACAGTGACTGCAGACACATCCTCCAGAACTGCCTACGTGCAG
59 TyrThrAsnTyrAsnGluLysPheLysGlyLysAlaThrValThrAlaAspThrSerSerArgThrAlaTyrValGln
CDR-H3
469 GTCAGGAGCCTGACATCTGAGGACTCTGCTGTCTATTTCTGTGCAAGATCCGGCTAGCTGGTACTTCGATGTCTGGGGC
85 ValArgSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrPheCysAlaArgSerAlaSerTrpTyrPheAspValTrpGly
CH1 **HindIII Linker** **EcoRV**
547 GCACGGACTACGGTCACCGTCTCCTCAGCCAAAACAACACCCAAGCTTGGCGGTGATATCGAGCTCACTCAGTCTCCA
111 AlaArgThrThrValThrValSerSerAlaLysThrThrProLysLeuGlyGlyAspIleGluLeuThrGlnSerPro
VL anti-CD30
625 AAATTCATGTCCACATCAGTAGGAGACAGGGTCAACGTCACCTACAAGGCCAGTCAGAATGTGGGTACTAATGTAGCC
137 LysPheMetSerThrSerValGlyAspArgValAsnValThrTyrLysAlaSerGlnAsnValGlyThrAsnValAla
703 TGGTTTCAACAAAAACCAGGGCAATCTCCTAAAGTTCTGATTTACTCGGCATCTTACCGATACAGTGGAGTCCCTGAT
163 TrpPheGlnGlnLysProGlyGlnSerProLysValLeuIleTyrSerAlaSerTyrArgTyrSerGlyValProAsp
781 CGCTTCACAGGCAGTGGATCTGGAACAGATTTCACTCTCACCATCAGCAATGTGCAGTCTGAAGACTTGGCAGAGTAT
189 ArgPheThrGlySerGlySerGlyThrAspPheThrLeuThrIleSerAsnValGlnSerGluAspLeuAlaGluTyr
C kappa **NotI**
859 TTCTGTCAGCAATATCACACCTATCCTCTCACGTTCTGGAGGGGGCACCAAGCTGGAAATCAAACGGGCTGATGTGCG
215 PheCysGlnGlnTyrHisThrTyrProLeuThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuIleLysArgAlaAspAlaAla
BamHI **c-myc epitope** **His6 tail** **BglII**
937 GCCGCTGGATCCGAACAAAAGCTGATCTCAGAAGAAGACCTAAACTCACATCACCATCACCATCACTAAAGATCTATT
241 AlaAlaGlySerGluGlnLysLeuIleSerGluGluAspLeuAsnSerHisHisHisHisHisHis
RBS **Pel B leader** **NcoI**
1015 AAAGAGGAGAAATTAACCATGAAATACCTATTGCCTACGGCAGCCGCTGGCTTGCTGCTGCTGGCAGCTCAGCCGGCC
NcoI **Serum A** **VH anti-CD30**
1093 ATGGCGGCCATGGCCAGGTGCAACTGCAGCAGTCAGGGGCTGAGCTGGCTAGACCTGGGGCTTCAGTGAAGATGTCC
1 MetAlaGlnValGlnLeuGlnGlnSerGlyAlaGluLeuAlaArgProGlyAlaSerValLysMetSer
1171 TGCAAGGCTTCTGGCTACACCTTTACTACCTACACAATACACTGGGTAAGACAGAGGCCTGGACACGATCTGGAATGG
24 CysLysAlaSerGlyTyrThrPheThrThrTyrThrIleHisTrpValArgGlnArgProGlyHisAspLeuGluTrp
1249 ATTGGATACATTAATCCTAGCAGTGGATATTCTGACTACAATCAGAACTTCAAGGGCAAGACCACATTGACTGCAGAC
50 IleGlyTyrIleAsnProSerSerGlyTyrSerAspTyrAsnGlnAsnPheLysGlyLysThrThrLeuThrAlaAsp
1327 AAGTCTCCAACACAGCCTACATGCAACTGAACAGCCTGACATCTGAGGACTCTGCGGTCTATTACTGTGCAAGAAGA
76 LysSerSerAsnThrAlaTyrMetGlnLeuAsnSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrTyrCysAlaArgArg
CH1
1405 GCGGACTATGGTAACACGAATATACCTGGTTTGCTTACTGGGGCCAAGGGACCACGGTCACCGTCTCCTCAGCCAAA
102 AlaAspTyrGlyAsnTyrGluTyrThrTrpPheAlaTyrTrpGlyGlnGlyThrThrValThrValSerSerAlaLys
HindIII Linker **EcoRV** **VL anti-CD16**
1483 ACAACACCCAAGCTTGGCGGTGATATCCAGGCTGTTGTGACTCAGGAATCTGCACTCACCACATCACCTGGTGAAAC
128 ThrThrProLysLeuGlyGlyAspIleGlnAlaValValThrGlnGluSerAlaLeuThrThrSerProGlyGluTh
CDR-L1
1560 AGTCACACTCACTTGTGCTCAAAATACTGGGACTGTTACAACCTAGTAACCTATGCCAACTGGGTCCAAGAAAAACCAGA
153 rValThrLeuThrCysArgSerAsnThrGlyThrValThrThrSerAsnTyrAlaAsnTrpValGlnGluLysProAs
CDR-L2
1638 TCATTTATTCACTGGTCTAATAGGTATACCAACAACCGAGCTCCAGGTGTTCTGCTGCCAGATTCTCAGGCTCCCTGAT
179 pHisLeuPheThrGlyLeuIleGlyHisThrAsnAsnArgAlaProGlyValProAlaArgPheSerGlySerLeuIl
CDR-L3
1716 TGGAGACAAGGCTGCCCTCACCATCACAGGGGCACAGACTGAGGATGAGGCAATATATTTCTGTGCTCTATGGTATAA
205 eGlyAspLysAlaAlaLeuThrIleThrGlyAlaGlnThrGluAspGluAlaIleTyrPheCysAlaLeuTrpTyrAs
NotI **BamHI**
1794 CAACCATTTGGGTGTTCCGGTGGAGGAACCAAACTGACTGTCCTAGGCCAGCCCAAGTCTGCGGCCGCTGGATCCGAACA
231 nAsnHisTrpValPheGlyGlyGlyThrLysLeuThrValLeuGlyGlnProLysSerAlaAlaAlaGlySerGluGl

Fig. 1

c-myc epitope His6 tail XbaI BclI NheI
 1872 AAAGCTGATCTCAGAAGAAGACCTAAACTCACATCACCATCACCATCACTAATCTAGAGGCCTGTGCTAATGATCAGC
 257 nLysLeuIleSerGluGluAspLeuAsnSerHisHisHisHisHisHisHis
 HpaI
 1950 TAGCTTGAGGCATCAATAAAACGAAAGGCTCAGTCGAAAGACTGGGCCTTTTCGTTTTATCTGTTGTTTGTCTCGGTTAAC
 Sall EarI PvuI FspI BglI
 2028 GTCGACCTGGCGTAATAGCGAAGAGGCCCGCACCGATCGCCCTTCCCAACAGTTGCGCAGCCTGAATGGCGAATGGGA
 2106 CGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTACACTTGCCAGCGCCCT
 NaeI
 2184 AGCGCCCGCTCCTTTTCGCTTTCTTCCCTTCCTTTCTCGCCACGTTCCGCGGCTTTCCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGG
 f1 IR DralI
 2262 GCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCCTTACGGCACCTCGACCCCAAAAACTTGATTAGGGTGATGGTTTACGTAG
 2340 TGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTTCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCTTGTTC
 2418 AACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGTCTATTCTTTTGATTTATAAGGGATTTTGCCGATTTTCGGCCTATTGGTT
 SspI
 2496 AAAAAATGAGCTGATTTAACAATAATTTAACGCGAATTTTAACAAAATATTAACGCTTACAATTTAGGTGGCCTTTT
 BspHI
 2574 CGGGGAAATGTGCGCGGAACCCCTATTTGTTTTATTTTTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAGACAATAA
 SspI EarI
 2652 CCCTGATAAATGCTTCAATAATATTGAAAAAGGAAGAGTATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCCTTT
 ApaI
 2730 TTTGCGGCATTTTGCCTTCCTGTTTTTGCTCACCCAGAAACGCTGGTGAAAGTAAAAGATGCTGAAGATCAGTTGGGT
 XmnI
 3008 GCACGAGTGGGTTACATCGAACTGGATCTCAACAGCGGTAAGATCCTTGAGAGTTTTTCGCCCCGAAGAAGCTTTTCCA
 Dral
 2886 ATGATGAGCACTTTTAAAGTTCTGCTATGTGGCGCGGTATTATCCCGTATTGACGCCGGGCAAGAGCAACTCGGTTCG
 Scal 1000
 2964 CGCATACACTATTCTCAGAAATGACTTGGTTGAGTACTCACCAGTCACAGAAAAGCATCTTACGGATGGCATGACAGTA
 β-Lactamase PvuI
 3042 AGAGAATTATGCAGTGCTGCCATAACCATGAGTGATAACACTGCGGCCAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCG
 3120 AAGGAGCTAACCGCTTTTTTGCACAACATGGGGGATCATGTAACCTGCCTTGATCGTTGGGAACCGGAGCTGAATGAA
 FspI
 3198 GCCATACCAAACGACGAGCGTGACACCACGATGCCTGTAGCAATGGCAACAACGTTGCGCAAACCTATTAACGGCGAA
 AseI
 3276 CTACTTACTCTAGCTTCCCGGCAACAATTAATAGACTGGATGGAGGCGGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCG
 BglI
 3354 GCCCTTCCGGCTGGCTGGTTTATTTGCTGATAAATCTGGAGCCGGTGAGCGTGGGTCTCGCGGTATCATTTGCAGCACTG
 3432 GGGCCAGATGGTAAGCCCTCCCGTATCGTAGTTATCTACACGACGGGAGTCAGGCAACTATGGATGAACGAAATAGA
 3510 CAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTTGGTAACGTGTCAGACCAAGTTTACTCATATATACTTTAGATT
 Dral Dral BspHI
 3588 GATTTAAAACTTCATTTTTTAATTTAAAAGGATCTAGGTGAAGATCCTTTTTTGATAATCTCATGACCAAAATCCCTTAA
 3666 CGTGAGTTTTTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTCTTGAGATCCTTTTTTCTGCGC
 3744 GTAATCTGCTGCTTGCAAACAAAAAACCCCGTACCAGCGGTGGTTTTGTTTGCCGGATCAAGAGCTACCAACTCTT
 3822 TTTCCGAAGGTAACCTGGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAATACTGTCTTCTAGTGTAGCCGTAGTTAGGCCACCAC
 AlwNI
 3900 TTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTACATACCTCGCTCTGCTAATCCTGTTACCAGTGGCTGCTGCCAGTGGCGATAAG
 ColE1 2000 ApaLI
 3978 TCGTGTCTTACCGGGTTGGACTCAAGACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTCCGGCTGAACGGGGGGTTTCGTGC
 4056 ACACAGCCCAGCTTGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTGAGCTATGAGAAAGCGCCACGCTT
 4134 CCCGAAGGGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGGTAAGCGGCAGGGTCGGAACAGGAGAGCGCACGAGGGAGCTTCCAGGG
 4212 GGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCTGTGCGGTTTTCGCCACCTCTGACTTGAGCGTCGATTTTTGTGATGCTCGTCA
 4290 GGGGGGCGGAGCCTATGGAAAAACGCCAGCAACGCGGCCCTTTTTACGGTTCTTGCCCTTTTGCTGGCCCTTTTGCTCAC
 4368 ATGTTCTTTTCTGCGTTATCCCTTGATTCTGTGGATAACCGTATTACCGCCTTTGAGTGAGCTGATACCGCTCGCCGC
 EarI
 4446 AGCCGAACGACCGAGCGCAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGGAAGAGCGCCCAATACGCAAACCGCCTCTCCCCGCG
 AseI BspMI
 4524 CGTTGGCCGATTCAATTAATGCAGGTATCACGAGGCCCTTTTCGTCTTCAC

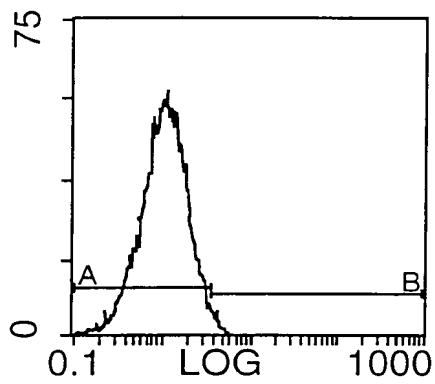
Fig. 1 (Fortsetzung)

Fig. 2

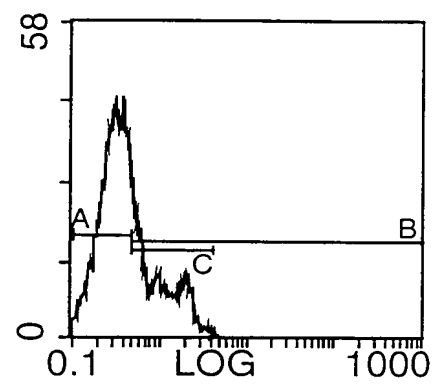
Granulocytes (CD16⁺)

L540CY cells (CD30⁺)

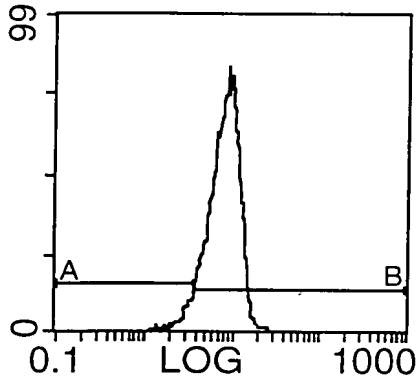
Neg. Control



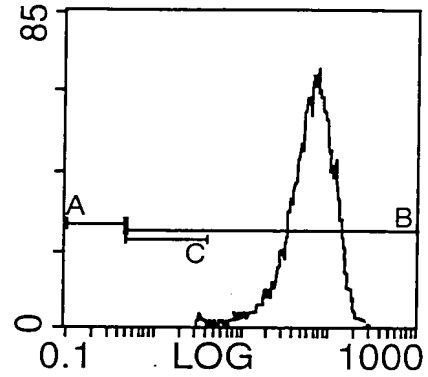
Neg. Control



erfindungsgemäßes F_V-Antikörper-Konstrukt



erfindungsgemäßes F_V-Antikörper-Konstrukt



Fluorescence Intensity

Fig. 3

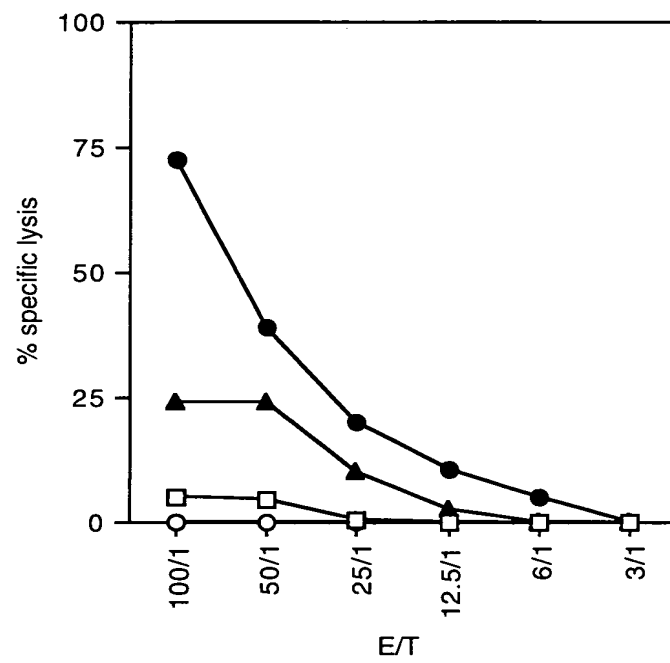


Fig. 4

